



Bárcena Villa Nueva, 19 de agosto de 2021

INFORME SEQ-06-08-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variants of Concern*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección de SARS-CoV-2 y para secuenciación del genoma del mismo virus.

En este informe se trabajaron con muestras del mes de junio que ingresaron al LNS para detección de SARS-CoV-2, y muestras que recibió el LNS para la secuenciación del 22 de junio al 6 de agosto. Todas estas muestras se procesaron para confirmar la presencia del gen E del virus de SARS-CoV-2 mediante RT-PCR en tiempo real, y solamente aquellas con resultado positivo para gen E se realizó el tamizaje para detección de VOC, mediante RT-PCR en tiempo real. Tal como se observa en la tabla 1, se encontraron 543 muestras positivas para VOC, de las cuales, la mayoría pertenece a las muestras que ingresaron al LNS para secuenciación del virus SARS-CoV-2.

Tabla 1. Detección de VOC en muestras ingresadas para detección de SARS-CoV-2 y para secuenciación en el LNS.

	Muestras ingresadas para detección de SARS-CoV-2	Muestras ingresadas para secuenciación	TOTAL
Total ingresadas	1538	1239	2777
-Tamizadas para VOC	1538	1025	2563
-Positivas VOC	232	311	543

Fuente: Datos producidos en el Laboratorio Nacional de Salud.

La procedencia de las muestras de secuenciación positivas para VOC son los departamentos de Guatemala, Chiquimula, Sololá, Baja Verapaz, El Progreso, Quetzaltenango, Sacatepéquez, Huehuetenango, San Marcos, Alta Verapaz, Totonicapán, Chimaltenango.

De las muestras procesadas para VOC que ingresaron para secuenciación de fechas del 1 de julio al 6 de agosto se seleccionaron y enviaron 100 muestras para secuenciación al Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud (ICGES) de Panamá, de este envío aún se esperan resultados. Además, se seleccionaron 90 muestras que fueron enviadas a la Asociación de Salud Integral-ASI- de las cuales se obtuvieron 60 resultados, los cuales se detallan en la tabla 2.

Laboratorio Nacional de Salud



Tabla 2. Resultados de secuenciación muestras enviadas a la Asociación de Salud Integral-ASI-

	Linaje	Denominación OMS	Frecuencia	Primera Detección
VOC	B.1.617.2	Delta	19	India
	P.1	Gamma	6	Brasil
VOI	C.37	Lambda	1	Perú
Otras	A.2.5		19	
	B.1.627		1	
	B.1.628		14	
	TOTAL		60	

Fuente: Datos producidos por la Asociación de Salud Integral-ASI-

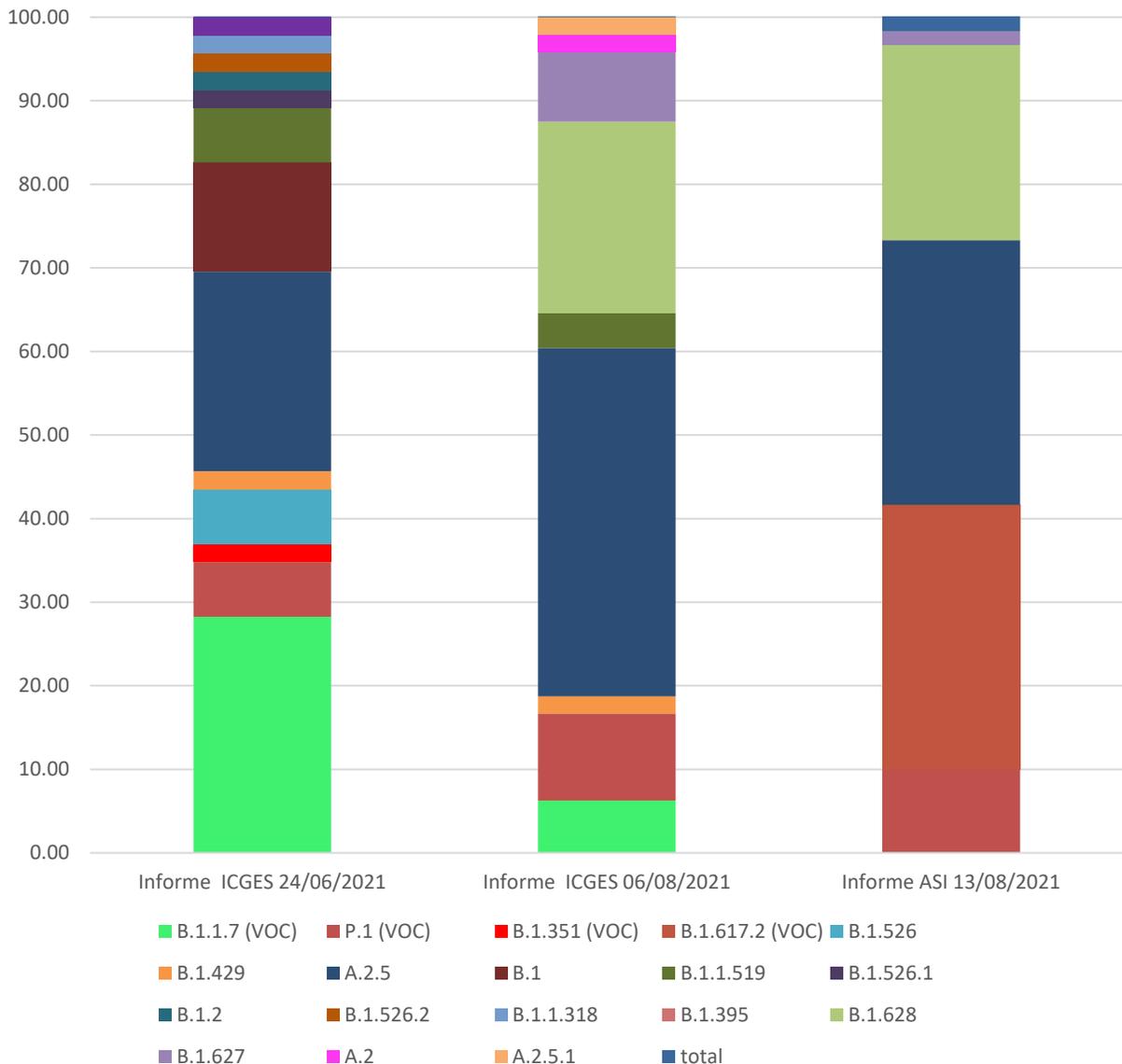
De los 60 resultados obtenidos de las muestras enviadas a la Asociación de Salud Integral-ASI-, fueron detectadas 25 muestras de las variantes de preocupación Gamma P.1 (6) y Delta B.1.617.2 (19). Además, se detectó por primera vez la variante de interés VOI Lambda C.37 (1) corresponde a un paciente masculino de 41 años de edad, procedente de Chiquimula, sin antecedentes de viaje, con sintomatología leve referido de hospital y no refiere información de vacunación. De las 25 muestras VOC están comprendidas en pacientes con edades entre 6 meses a 73 años con una media de 38 años; 6 pacientes son de sexo femenino y 19 de sexo masculino. Estas muestras fueron referidas de los departamentos de Guatemala, Totonicapán, Baja Verapaz, Alta Verapaz; algunas muestras ingresaron del Instituto Guatemalteco de Seguridad Social (IGSS) y Hospitales Privados. Es importante mencionar la circulación de la variante Delta en los departamentos de Guatemala (15), Alta Verapaz (3) y Totonicapán (1).

En la gráfica 1 se comparan los resultados de linajes obtenidos en los últimos envíos de muestras enviadas a secuenciar. Se observa por primera vez la detección de la variante de interés Lambda (C.37.)

Laboratorio Nacional de Salud



Gráfica 1 Comparativo en porcentaje de los linajes encontrados en secuenciación externa (INSTITUTO CONMEMORATIVO GORGAS DE ESTUDIO DE LA SALUD, ICGES Y ASOCIACIÓN DE SALUD INTEGRAL-ASI-)



Laboratorio Nacional de Salud